**Wymagania graniczne dotyczące pakietu 1**

**Pozycja 1**

|  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- |
| **Lp.** | **Określenie parametru** | **Warunek graniczny** | **Odpowiedź TAK/NIE** |
| 1 | Odczynnik do oczyszczania DNA oparty o technologię kulek magnetycznych SPRI (*Solid Phase Reversible Immobilization*) używanych w reakcjach PCR, qPCR, NGS i innych reakcjach enzymatycznych | TAK |  |
| 2 | Pozwala na usunięcie z preparatu niezwiązanych nukleotydów, starterów (w tym dimerów), soli i innych zanieczyszczeń | TAK |  |
| 3 | Może być stosowany do powtarzalnego i przewidywalnego wyboru wielkości fragmentów DNA | TAK |  |
| 3 | Do stosowania w pracy manualnej i automatycznej | TAK |  |

**Uwaga!**

**Niespełnienie warunków granicznych spowoduje odrzucenie oferty.**

.........................

Podpis i pieczęć

**Wymagania graniczne dotyczące pakietu 6**

**Pozycja 1**

|  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- |
| **Lp.** | **Określenie parametru dla części**  | **Warunek graniczny** | **Odpowiedź TAK/NIE** |
| 1. | Panel genowy do tworzenia bibliotek do celowanego sekwencjonowania typu NGS ludzkiego DNA, który pozwala na badanie zmian somatycznych w obrębie 54 genów | TAK |  |
| 2. | Dotyczy nowotworów hematologicznych, w tym: AML, MDS, MPN, CML, CMML, JMML | TAK |  |
| 3. | Biblioteki tworzone są metodą amplikonową i są dedykowane do sekwencjonowania na systemach Illumina, w tym na sekwenatorze MiSeq | TAK |  |
| 4.  | Do przygotowania bibliotek wystarczy 50 ng ludzkiego DNA | TAK |  |

**Pozycja 6**

|  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- |
| **Lp.** | **Określenie parametru dla części**  | **Warunek graniczny** | **Odpowiedź TAK/NIE** |
| 1. | Panel genowy do tworzenia bibliotek do celowanego sekwencjonowania typu NGS ludzkiego DNA, który pozwala na badanie mutacji germinalnych w obrębie 94 genów predysponujących do nowotworów rodzinnych | TAK |  |
| 2. | Panel analizowanych genów obejmuje łącznie powyżej 1700 eksonów | TAK |  |
| 3. | Panel obejmuje listę genów zalecanych do badania przez Institute of Cancer Research, London (w tym warianty SNP kojarzące się z nowotworami) | TAK |  |
| 4. | Biblioteki są dedykowane do sekwencjonowania na systemach Illumina, w tym na sekwenatorze MiSeq | TAK |  |

**Uwaga!**

**Niespełnienie warunków granicznych spowoduje odrzucenie oferty.**

 .........................

Podpis i pieczęć

**Wymagania graniczne dotyczące pakietu 7**

**Pozycja 1**

|  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- |
| **Lp.** | **Określenie parametru dla części**  | **Warunek graniczny** | **Odpowiedź TAK/NIE** |
| 1. | Zestaw odczynnikowy kompletny do przygotowania biblioteki NGS z DNA izolowanego z biopsji tkanki nowotworowej techniką selekcji przez hybrydyzację. Zawiera bibliotekę oligonukleotydów RNA znakowanych biotyną o indywidualnej długości 120 par zasad i łącznej do 500 tys. par zasad) | TAK |  |
| 2. | Zawiera bibliotekę oligonukleotydów RNA znakowanych biotyną o indywidualnej długości 120 par zasad i łącznej do 500 tys. par zasad) | TAK |  |
| 3. | Kompatybilny z fragmentację DNA przez sonifikację. | TAK |  |
| 4. | Graniczna czyłość wykrywania mutacji somatycznych 1% | TAK |  |
| 5. | Zestaw dedykowany do DNA izolowanego z bloczków parafinowych, zgodny z technologią NGS Illumina | TAK |  |
| 6. | Wymagany certyfikat producenta zaświadczający autoryzację dystrybutora | TAK |  |

**Pozycja 2**

|  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- |
| **Lp.** | **Określenie parametru dla części**  | **Warunek graniczny** | **Odpowiedź TAK/NIE** |
| 1. | Zestaw odczynnikowy do oceny stopnia degradacji DNA izolowanego z tkanki nowotworowej techniką ilościowej reakcji PCR | TAK |  |
| 2. | W skład zestawu wchodzą odczynniki do pomiaru liczby kopii DNA techniką ilościowego PCR dla 16 próbek na podstawie amplifikacji fragmentów o długości 42 i 132 nukleotydów | TAK |  |
| 3. | Zestaw dedykowany do DNA izolowanego z bloczków parafinowych, zgodny z technologią NGS | TAK |  |
| 4. | Wymagany certyfikat producenta zaświadczający autoryzację dystrybutora | TAK |  |

**Pozycja 3**

|  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- |
| **Lp.** | **Określenie parametru dla części**  | **Warunek graniczny** | **Odpowiedź TAK/NIE** |
| 1. | Zestaw do elektroforezy kapilarnej kompatybilny z Bioanalyzer 2100 (Agilent Technologies) | TAK |  |
| 2. | W skład zestawu wchodzi 25 płytek/chipów i komplet odczynników (żel, barwnik, marker wewnętrzny, marker wielkości) | TAK |  |
| 3. | Zestaw umożliwia analizę 300 próbek DNA w zakresie długości fragmentów od 25 do 1000pz | TAK |  |
| 4.  | Jedna płytka umożliwia analizę 12 próbek DNA | TAK |  |
| 5. | Wymagana ilość próby potrzebna do analizy 1µl | TAK |  |
| 6. | Wymagana czułość 1ng/µl | TAK |  |
| 7. | Wymagany certyfikat producenta zaświadczający autoryzację dystrybutora | TAK |  |

**Uwaga!**

**Niespełnienie warunków granicznych spowoduje odrzucenie oferty.**

.........................

Podpis i pieczęć

**Wymagania graniczne dotyczące pakietu 11**

**Pozycja 1**

|  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- |
| **Lp.** | **Określenie parametru dla części**  | **Warunek graniczny** | **Odpowiedź TAK/NIE** |
| 1. | Tris-HCl do biologii molekularnej, wolny od Rnaz, Dnaz | TAK |  |
| 2. | Stężenie 10 mM | TAK |  |
| 3. | pH = 8,5 | TAK |  |

**Uwaga!**

**Niespełnienie warunków granicznych spowoduje odrzucenie oferty.**

.........................

Podpis i pieczęć